

Marta Popławska^{1,2}, Jarosław Dziadek²

¹ Uniwersytet Łódzki, ul. Banacha 12/16, 93-237 Łódź, e-mail: mborun@cbm.pan.pl, tel. (42) 635 45 00

² Centrum Biologii Medycznej, Polska Akademia Nauk, ul. Łodowa 106, 93-232 Łódź,
e-mail: jdziadek@cbm.pan.pl, tel. (42) 272 36 10

Wpłynęło we wrześniu 2006 r.

1. Główne białko zaangażowane w proces podziału komórkowego – FtsZ. 2. Regulacja tworzenia pierścienia Z. 3. Inne białka zaangażowane w tworzenie przegrody międzykomórkowej i proces podziału komórkowego. 4. Proces podziału komórkowego drobno-ustrojów z rodzaju *Mycobacterium*

Bacterial cell division proteins. The fellowship of the ring

Abstract: Cell division in bacteria takes place at the midcell and occurs after DNA has been duplicated and segregated into two nucleoids. The division process starts with the localization of FtsZ at the center of the cell and formation of a septal ring structure called Z-ring. Once the septum is fully formed, the Z-ring disappears and the daughter cells separate. An ordered assembly of other proteins follows this process (eg. FtsA, ZipA, FtsK, FtsQ, FtsL, FtsB, FtsW, FtsI, FtsN).

FtsZ is a highly conserved protein that is found in most of the major groups of bacteria. FtsZ is a structural homolog of tubulin; like tubulin, purified FtsZ binds and hydrolyses GTP and assembles *in vitro* into filaments, sheets and other structures.

One important inhibitory system, the Min system, is crucial for the precise positioning of the Z-ring. In *E. coli* this system consists of the FtsZ assembly inhibitor, MinC protein, and the MinD and MinE proteins which move from one cell pole to the other. Because MinC is associated with the relocating MinD protein, FtsZ assembly is inhibited at the cell poles. Another important regulatory system is nucleoid occlusion. Like Min system, nucleoid occlusion negatively regulates Z-ring assembly. Acting independently of the Min system nucleoid occlusion prevents the assembly of the Z ring on top of unreplicated chromosomal DNA. Several positive and negative regulators of Z ring assembly are known eg. ZipA, EzrA, ClpX, SulA, Noc proteins.

The lack of FtsA, ZipA and FtsN cell division proteins suggests that the mechanisms of cell division are likely to be different in *Mycobacterium* as compared with *E. coli*. FtsZ and FtsQ are essential cell division proteins in *Mycobacterium smegmatis* and *M. tuberculosis*. The C-termini of *M. tuberculosis* FtsZ and FtsW carries a string of amino acid residues that are absent in their *E. coli* counterparts. FtsZ and FtsW of *M. tuberculosis* are binding partners and that binding involves a cluster of aspartate residues in the C-tail of FtsZ.

1. The main cell division protein – Fts 2. Regulation of the Z-ring localization 3. Other cell division proteins 4. Cell division process in *Mycobacterium* sp.

Słowa kluczowe: białko FtsZ, białka podziału komórkowego, *Mycobacterium*, podział komórki bakteryjnej

Key words: FtsZ protein, *Mycobacterium* sp., cell division process

1. Wstęp

Proces podziału komórkowego jest jednym z podstawowych przejawów życiowych komórek zarówno pro- jak i eukariotycznych. W wyniku podziału powstają dwie komórki potomne identyczne pod względem posiadanej materiału genetycznego z komórką macierzystą.

Powstawanie komórek potomnych jest zatem poprzedzone podwojeniem informacji genetycznej czyli replikacją DNA, a następnie jego rozdzieleniem między nowo powstającymi komórkami. Wówczas rozpoczyna się proces formowania przegrody międzykomórkowej, któremu towarzyszy zjawisko cytokinez. Po wytworzeniu przegrody (septy) w miejscu jej powstania następuje stopniowe wpuklanie osłon komórkowych, co w konsekwencji prowadzi do rozdzielenia komórek potomnych [21, 26].

W komórce bakteryjnej po zakończeniu każdej rundy replikacyjnej chromosomy są złączone i w kolejnym etapie muszą ulec rozdzieleniu.

Mechanizm rozdziału chromosomów do komórek potomnych nie jest do końca poznany. Może on polegać na:

- połączeniu nukleoidów z błoną cytoplazmatyczną i ich mechanicznym rozdzieleniu w czasie wzrostu komórki,
- wzajemnym odpychaniu nukleoidów,
- działaniu specyficznych białek zaangażowanych w ten proces np. białek Spo0J, Soj, SMC (np. *Bacillus subtilis*) białek ParA i ParB *Caulobacter crescentus* [7, 26, 27, 38, 45, 47, 60, 64]. Spo0J lub ParB wiążą się w sposób specyficzny z sekwencjami parC (14–16 nukleotydowe sekwencje palindromowe) zlokalizowanymi wokół regionu oriC tworząc kompleks, w skład którego